

A multigenerational SIR model: some estimates and immunization strategies

Alexandre L. Madureira
www.Incc.br/~alm

Topics in Empirical Analysis and Economic Modeling Related to
COVID-19
04 de outubro de 2021

Coautores:

Eduardo Campos (FGV EPGE, ENCE/IBGE)

Rubens Cysne (FGV EPGE)

Gelcio Mendes (INCA)

Contents

Modelagem SIR para a COVID-19

Entendendo o passado

Prevendo o passado

Vacinação?

E agora?

Conclusões

Contents

Modelagem SIR para a COVID-19

Objetivos e Ressalvas

Modelagem SIR

Estimando parâmetros

Entendendo o passado

Prevendo o passado

Vacinação?

E agora?

Conclusões

Objetivos e Ressalvas

Nossos objetivos são

- ▶ apresentar uma modelagem tipo SIR para a COVID-19, baseada em faixas etárias e atividades heterogêneas
- ▶ propor uma forma de se conduzir previsões baseada em comportamentos passados
- ▶ discutir impactos de possíveis estratégias de vacinação

Ressalvas

- ▶ as opiniões emitidas nesta apresentação são de minha responsabilidade, e as simulações apresentadas não têm a finalidade de prever de forma fidedigna a evolução da COVID-19, mas tão somente de entender o comportamento da doença e apontar possíveis futuros cenários, de forma qualitativa.

Modelagem SIR



Figure: população $\mathcal{N} = S + I + R$

Compartimentos

1. Suscetíveis \mathcal{S}

- ▶ ficam doentes ao contactar $\beta \times$ infectados

2. Infectados \mathcal{I}

- ▶ se recuperam a uma taxa γ

3. Recuperados \mathcal{R}

- ▶ não voltam a ficar doentes
- ▶ incluem os mortos

SIR básico (slide mais importante)

Para os dias $t = 1, 2, 3, \dots$,

$$S_t = S_{t-1} - (\beta/\mathcal{N})\mathcal{I}_{t-1}S_{t-1}$$

$$\mathcal{I}_t = \mathcal{I}_{t-1} + (\beta/\mathcal{N})\mathcal{I}_{t-1}S_{t-1} - \gamma\mathcal{I}_{t-1}$$

$$\mathcal{R}_t = \mathcal{R}_{t-1} + \gamma\mathcal{I}_{t-1}$$

- ▶ conhecendo-se S_0 , \mathcal{I}_0 e \mathcal{R}_0 , o sistema está determinado
- ▶ β “mede” contatos: difícil de determinar, mas “controlável”
- ▶ a taxa de recuperação $\gamma \sim 1/d$, onde d é a duração da infecção, é fácil de determinar, mas “fora de controle”

Como parar a doença?

- ▶ fazer $\mathcal{I}_t < \mathcal{I}_{t-1}$, i.e., $R_t := (\beta/\gamma)(S_{t-1}/\mathcal{N}) < 1$
- ▶ como $S_{t-1}/\mathcal{N} < 1$, basta ter $R_0 := \beta/\gamma < 1$
- ▶ $R_t < 1$ determina a *imunidade de rebanho*
- ▶ único controle: β

Vida... modelos... nada é tão simples

Limitações do SIR básico

- ▶ população homogênea
- ▶ contatos independem da idade e de atividades
- ▶ não permite propor políticas de afastamento/vacinação por faixas etárias ou atividades.

Sofisticações

- ▶ dividir a população em faixas etárias (de 5 em 5 anos)
- ▶ dividir infectados em subclínicos e clínicos
- ▶ determinar parâmetros
- ▶ impor políticas de imunização por faixa etária

SIR multigeração

Para faixa etária $i = 1, \dots, 16$

$$\mathcal{S}_i(t+1) = \mathcal{S}_i(t) - \beta_i(\mathcal{I})\mathcal{S}_i(t)$$

$$\mathcal{I}_i(t+1) = \mathcal{I}_i(t) + \beta_i(\mathcal{I})\mathcal{S}_i(t) - \gamma\mathcal{I}_i(t)$$

$$\mathcal{R}_i(t+1) = \mathcal{R}_i(t) + \gamma\mathcal{I}_i(t)$$

Observações (para faixa etária $i = 1, \dots, 16$)

- ▶ $\mathcal{I}_i^{\text{sc}} = (1 - \rho_i)\mathcal{I}_i$ são *infectados subclínicos*, assintomáticos
- ▶ $\mathcal{I}_i^{\text{c}} = \rho_i\mathcal{I}_i$ são *infectados clínicos*, com fortes sintomas
- ▶ β_i depende de \mathcal{I}^{sc} e \mathcal{I}^{c} , e “mistura” as diversas idades
- ▶ a recuperação γ independe da idade

Pequena revisão bibliográfica

Trabalhos anteriores:

- ▶ W.H. Hamer; The Lancet, 1906
- ▶ A.G. M'Kendrick; Proceedings of the Edinburgh Mathematical Society, 1925
- ▶ W.O. Kermack, A.G. McKendrick, G .T. Walker; Proceedings of the Royal Society of London, 1927
- ▶ S. Towers, Z. Feng; Mathematical Biosciences, 2012
- ▶ K. Prem et al.; The Lancet Public Health, 2020
- ▶ P.J.S. Silva, C. Sagastizábal, L.G. Nonato, C.J. Struchiner, T. Pereira; PNAS, 2021

Interação social

- ▶ vetor de contato:

$$\beta_i(\mathcal{I}^{\text{sc}}, \mathcal{I}^{\text{c}}) = \sum_{j=1}^{16} C_{ij}^e (\alpha^{\text{sc}} \mathcal{I}_j^{\text{sc}} + \alpha^{\text{c}} \mathcal{I}_j^{\text{c}}) / \mathcal{N}_j,$$

- ▶ $\alpha^{\text{sc}}, \alpha^{\text{c}}$: fração dos infectados transmitindo o vírus
- ▶ matriz efetiva de contatos:

$$C^e = \beta_h(t) C^{\text{home}} + \beta_w(t) C^{\text{work}} + \beta_s(t) C^{\text{school}} + \beta_o(t) C^{\text{other}}$$

- ▶ matrizes $C^{\text{home}}, C^{\text{work}}, C^{\text{school}}, C^{\text{other}}$ mensuram contatos pré-pandemia da faixa i com a faixa j , em cada localidade
- ▶ $\beta_h, \beta_w, \beta_s, \beta_o$ modelam interação social e taxa de contágio

Matrizes de contato:

- ▶ J. Mossong et al.; PLOS Medicine, 2008
- ▶ K. Prem, A.R. Cook, M. Jit; PLOS Computational Biology, 2017

Números de reprodução

Definition (Número Básico de reprodução \mathbb{R}_0)

É o número de contaminações produzidas pela presença de um indivíduo contaminado numa população totalmente suscetível

Depois de algumas contas:

$$\mathbb{R}_0 := \frac{1}{\gamma} \lambda_{\max}, \quad \mathbb{R}_t := \frac{1}{\gamma} \lambda_{\max}(t)$$

onde λ_{\max} e $\lambda_{\max}(t)$ são os maiores autovalores das matrizes $\mathcal{P}C^eD$ e $\mathcal{S}C^eD$:

- ▶ \mathcal{P} : matriz diagonal com a população por faixa etária
- ▶ C^e : matriz efetiva de contatos
- ▶ \mathcal{S} : matriz diagonal de suscetíveis
- ▶ D : matriz diagonal envolvendo população, α^{sc} , α^c e ρ

Outros parâmetros

- ▶ ρ_i indica se paciente da faixa i se tornará infectado subclínico ou clínico
- ▶ mortos: $\gamma\mu(t)w_d \cdot \mathcal{I}^c$, onde $\mu(t)w_d$ é a *letalidade*

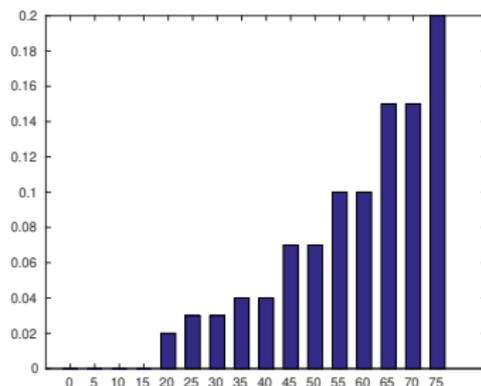
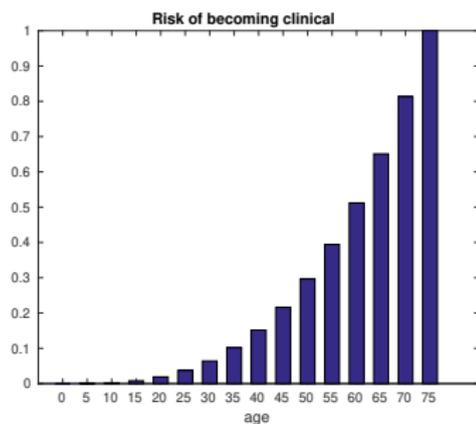


Figure: probabilidade ρ de se tornar clínico (esq) e letalidade w_d (dir)

Achando parâmetros

Dois tipos de parâmetros precisam ser determinados:

1. Na matriz efetiva de contatos:

$$C^e = \beta_h(t)C^{\text{home}} + \beta_w(t)C^{\text{work}} + \beta_s(t)C^{\text{school}} + \beta_o(t)C^{\text{other}},$$

2. Na letalidade: $\mu(t)w_d$

Simplificações:

- (i) Escolas fechadas: $\beta_s = 0$
- (ii) Contato em casa não muda: β_h constante
- (iii) Não identificabilidade: $\beta_w(t) = \beta_o(t)$
- (iv) Cálculo de $\mu(t)$ via número de mortos (dados) e de infectados (SIR)

Achando parâmetros

Problema de otimização: buscar $\beta_h \in \mathbb{R}$, $\beta_w \in P_0[0, T]$ (espaço das funções constantes a cada 10 dias) minimizando

$$J(\mathcal{I}^{\text{SIR}}) = \frac{\|\mathcal{I}^{\text{SIR}} - \mathcal{I}^{\text{data}}\|_{L^2(0,T)}}{\|\mathcal{I}^{\text{data}}\|_{L^2(0,T)}}$$

onde

- (i) \mathcal{I}^{SIR} : infectados clínicos calculado por SIR
- (ii) $\mathcal{I}^{\text{data}}$: número de infectados (Ministério da Saúde)

Método: otimização randômica:

- ▶ Dado parâmetro inicial x , ache y adicionando “ruído”
- ▶ Se $J(y) < J(x)$ faça $x = y$.
- ▶ Itere

Contents

Modelagem SIR para a COVID-19

Objetivos e Ressalvas

Modelagem SIR

Estimando parâmetros

Entendendo o passado

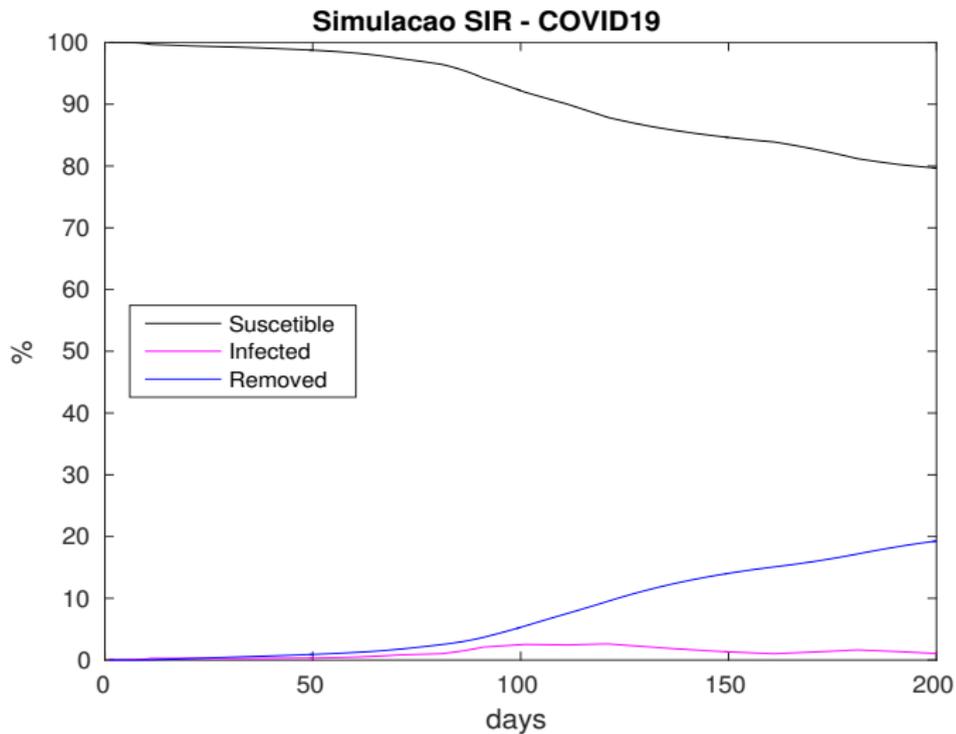
Prevendo o passado

Vacinação?

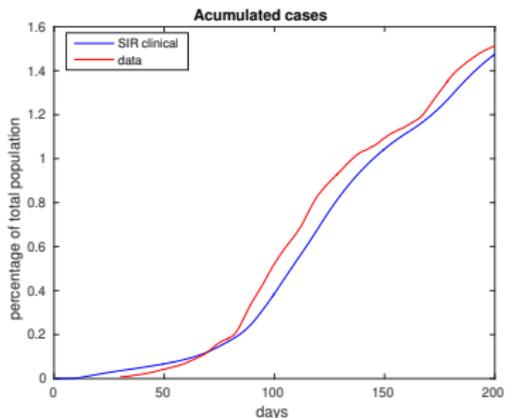
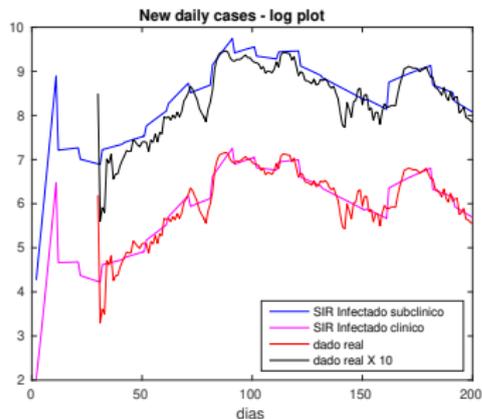
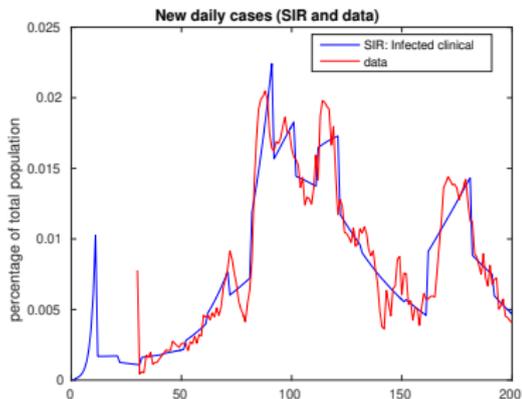
E agora?

Conclusões

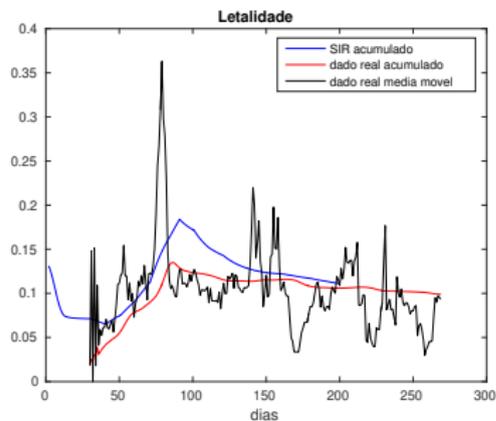
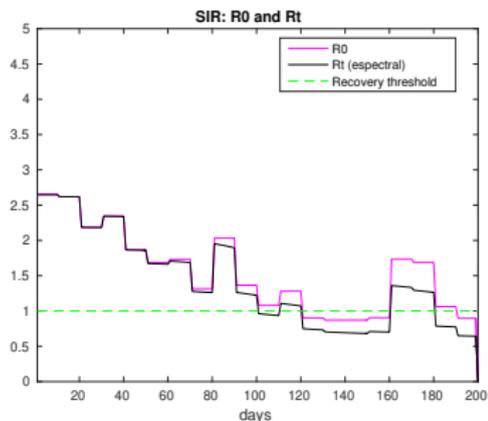
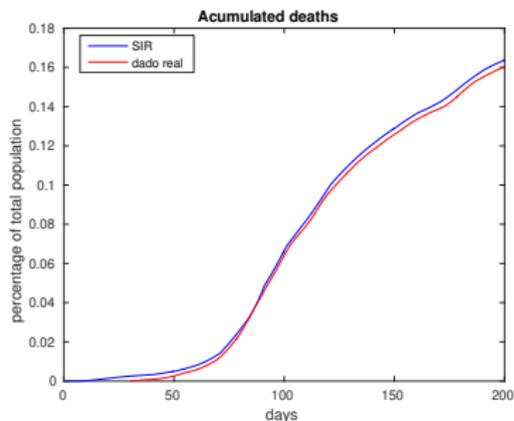
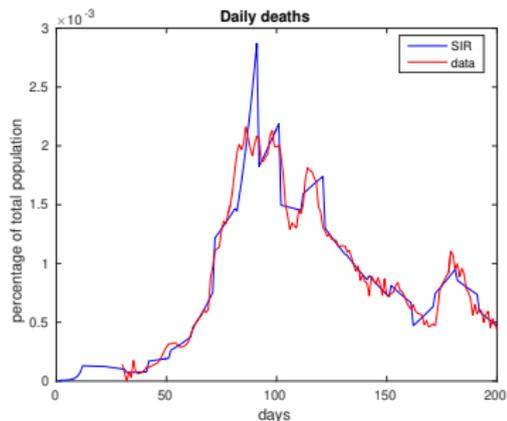
Resultados para Cidade do Rio



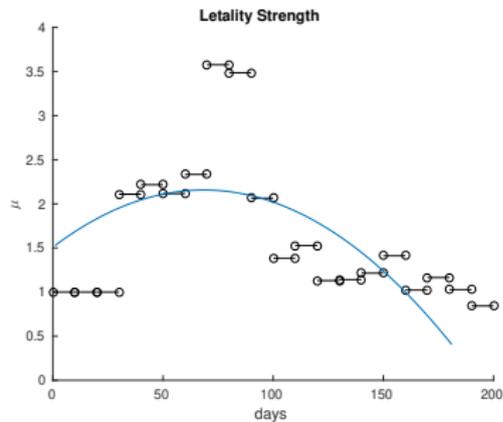
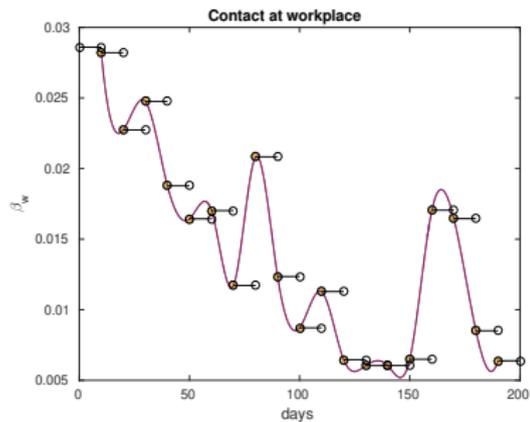
Resultados para Cidade do Rio



Resultados para Cidade do Rio



Resultados para Cidade do Rio



Contents

Modelagem SIR para a COVID-19

Objetivos e Ressalvas

Modelagem SIR

Estimando parâmetros

Entendendo o passado

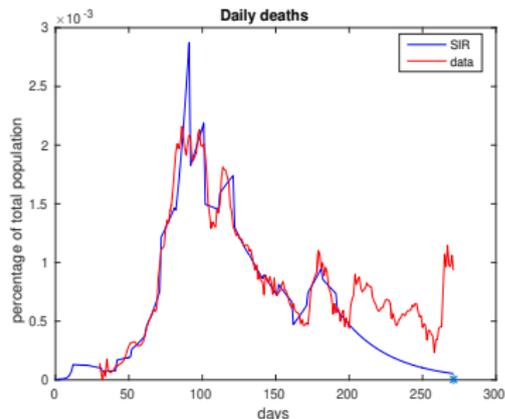
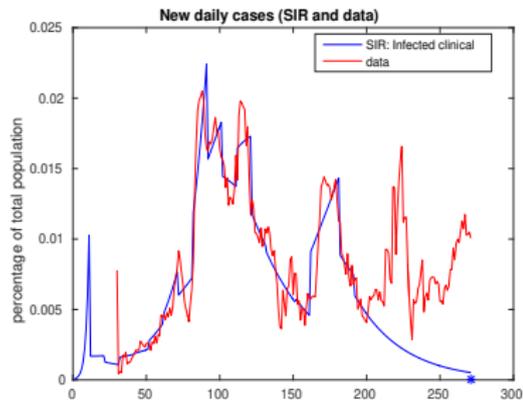
Prevendo o passado

Vacinação?

E agora?

Conclusões

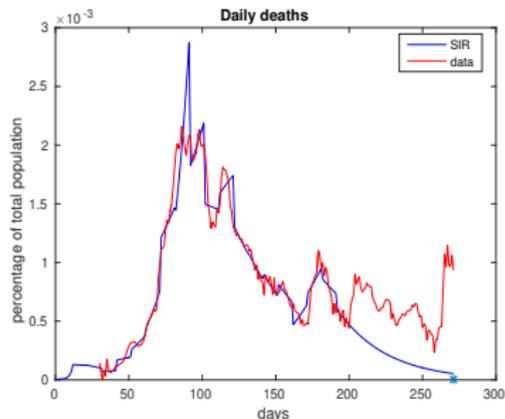
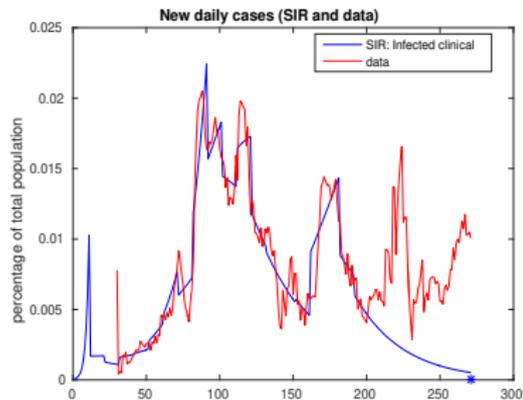
Como prever algo assim?



Explicação (Marinho Chagas):

“Posso resumir a derrota do Botafogo em duas palavras: A ZAR.”

Como prever algo assim?



Explicação (Marinho Chagas):

“Posso resumir a derrota do Botafogo em duas palavras: A ZAR.”

Gerando cenários

Algoritmo melhor cenário

- ▶ fixe dia=200; escolha $j \geq 0$
- ▶ fixe β_w e μ como os menores dos últimos j “betas” e “mus” anteriores
- ▶ use o SIR para fazer previsões

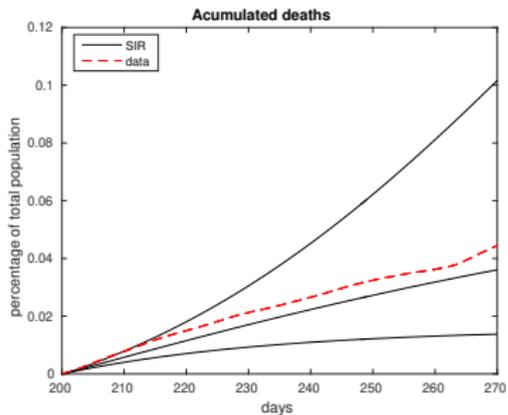
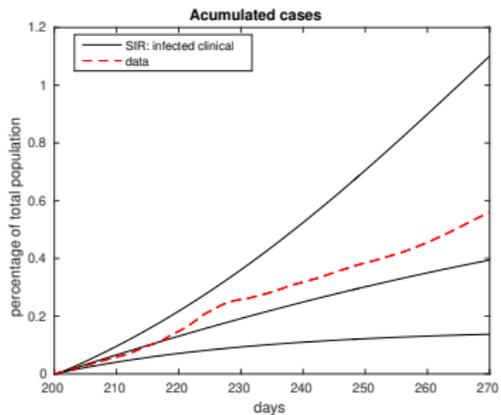
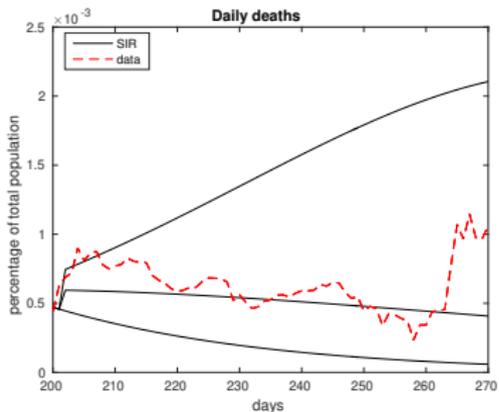
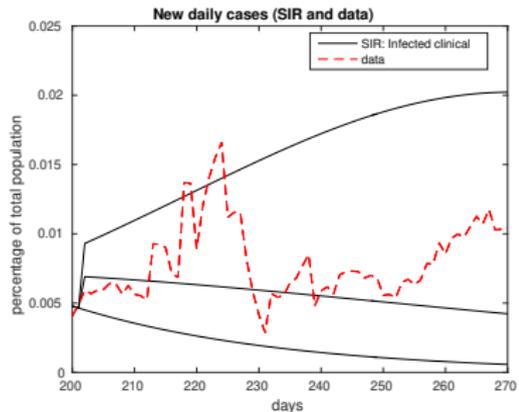
Algoritmo pior cenário

fixe β_w e μ como os maiores dos últimos j betas e mus anteriores

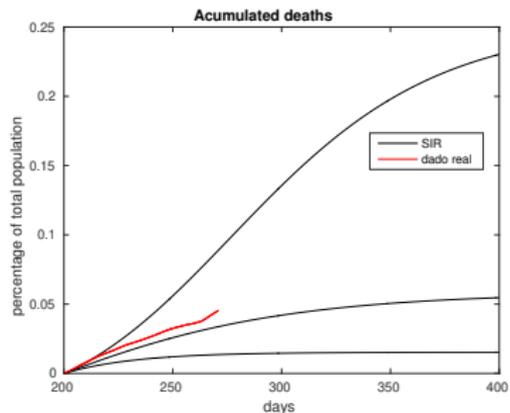
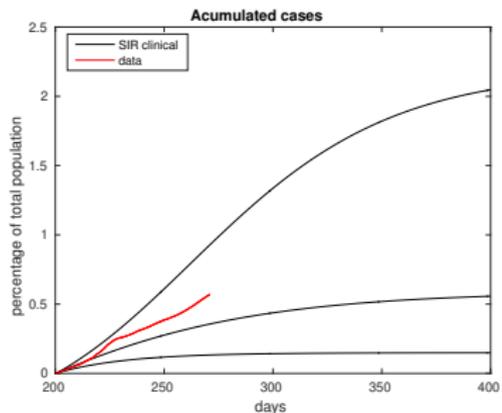
Algoritmo cenário intermediário

fixe β_w e μ como a média dos melhor/pior casos

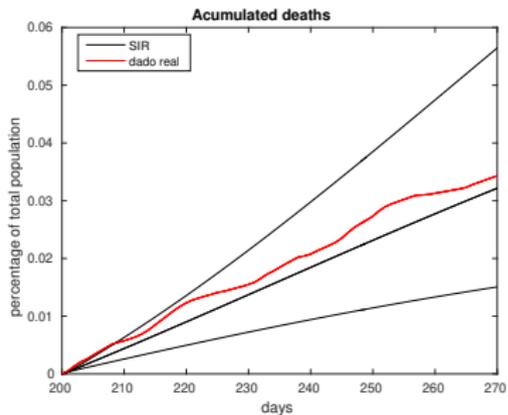
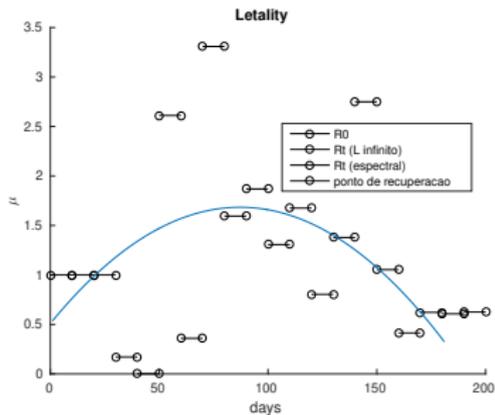
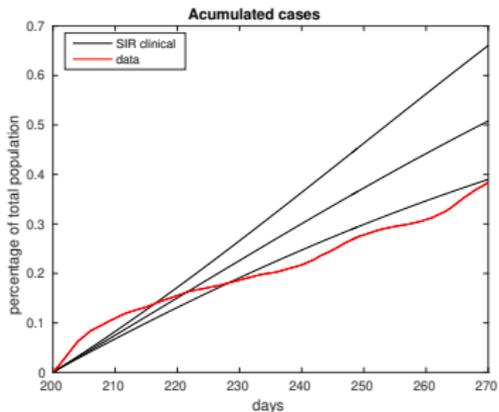
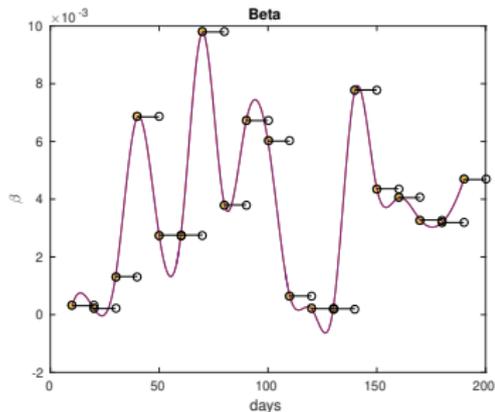
Previsões para o Rio



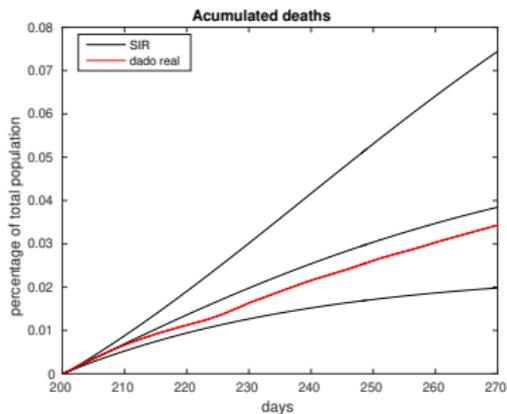
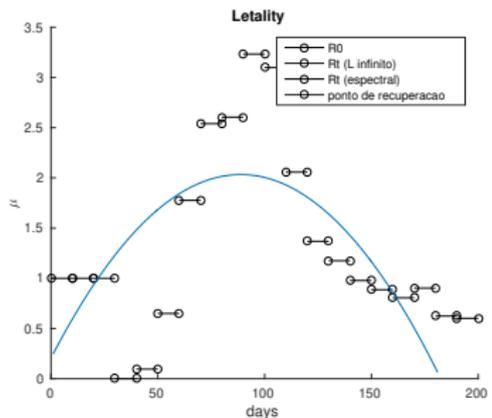
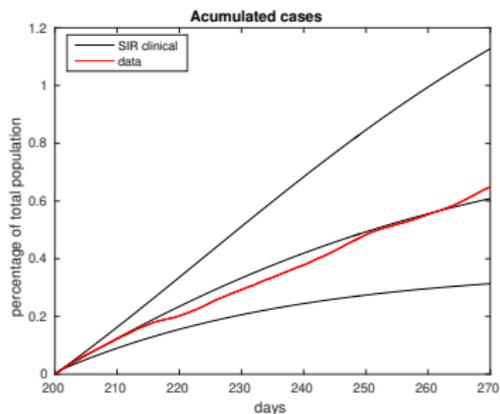
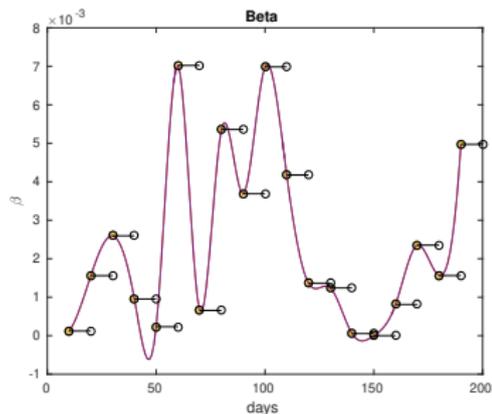
Previsões a longo prazo para o Rio



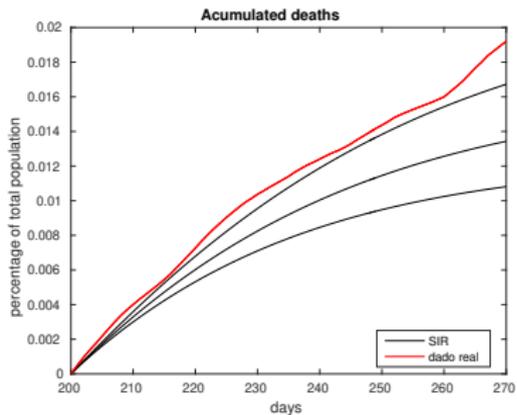
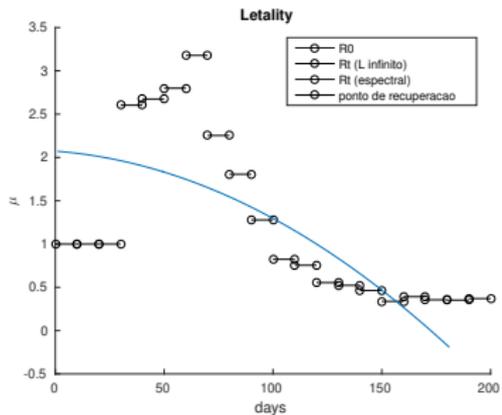
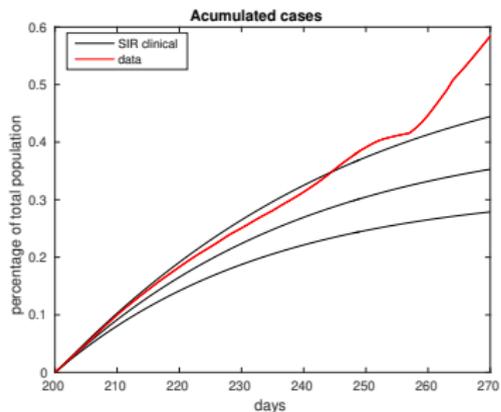
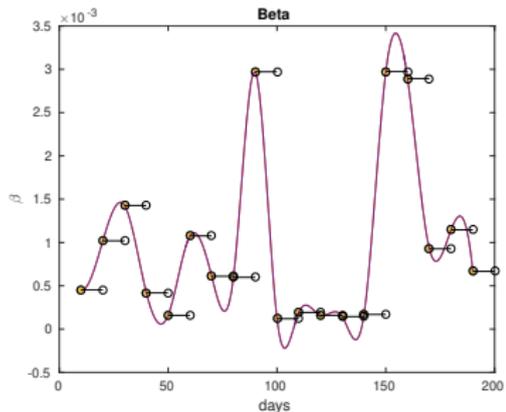
Petrópolis



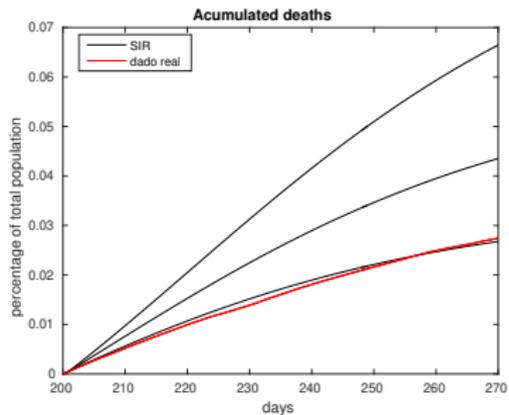
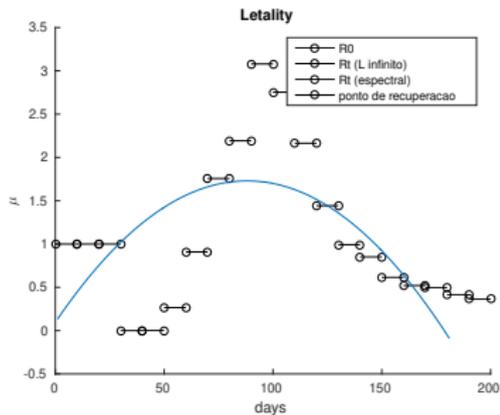
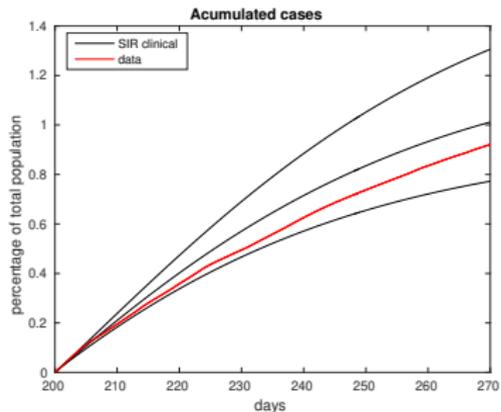
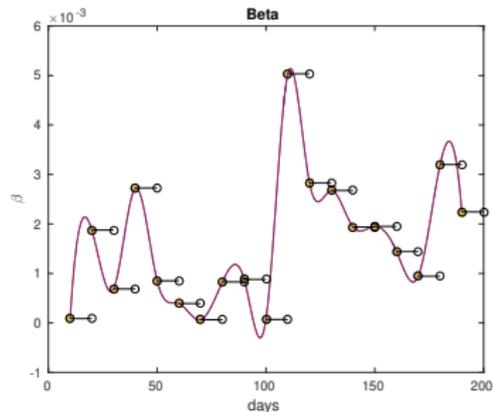
Estado de Rio de Janeiro



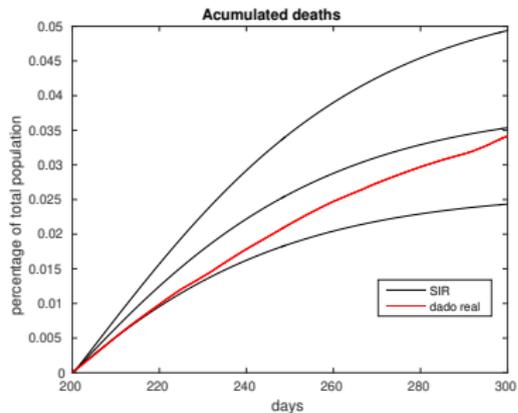
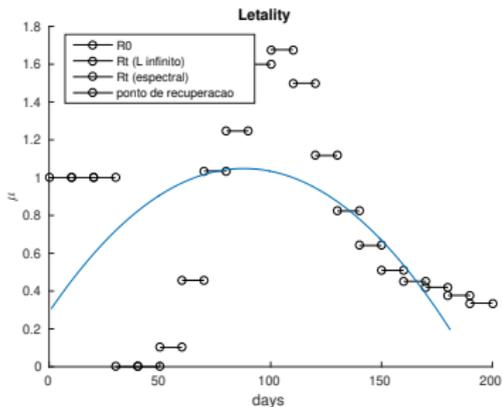
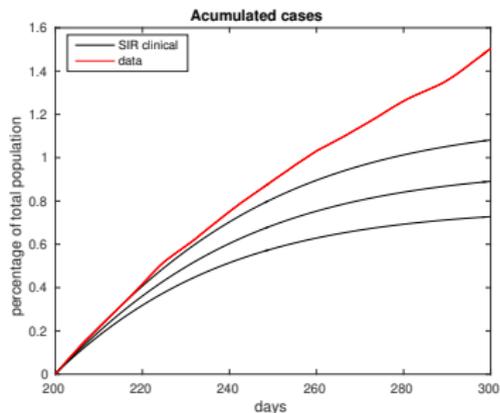
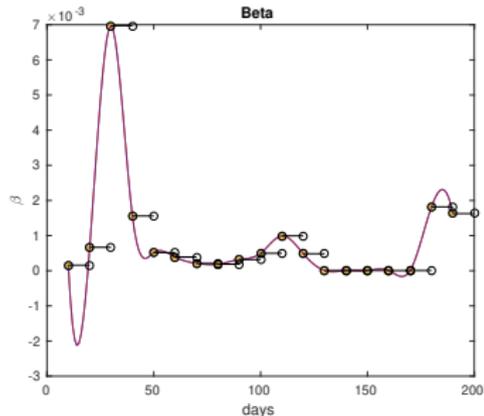
Cidade de São Paulo



Estado de São Paulo



Brasil



Contents

Modelagem SIR para a COVID-19

Objetivos e Ressalvas

Modelagem SIR

Estimando parâmetros

Entendendo o passado

Prevendo o passado

Vacinação?

E agora?

Conclusões

Números básicos e efetivos de reprodução

Definition (Um novo número básico de reprodução $\mathbb{R}_{0,\ell}$)

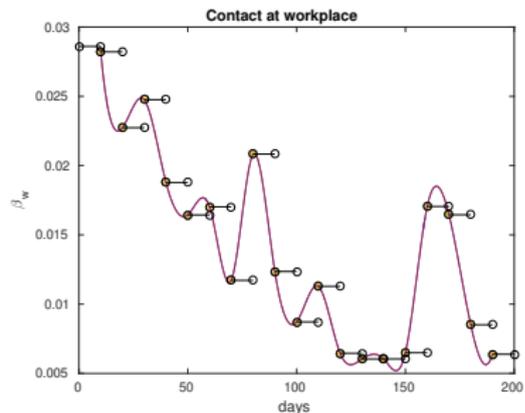
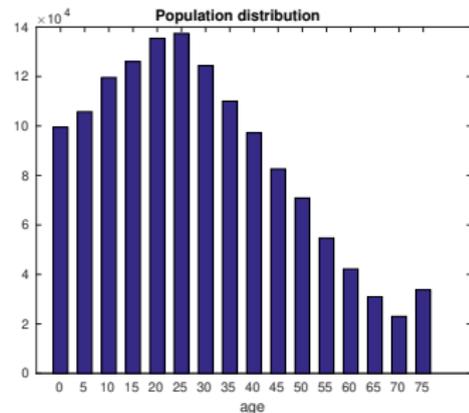
É o *maior* número de casos secundários produzidos por um indivíduo *de cada faixa etária* introduzido numa população totalmente suscetível.

Após alguma álgebra:

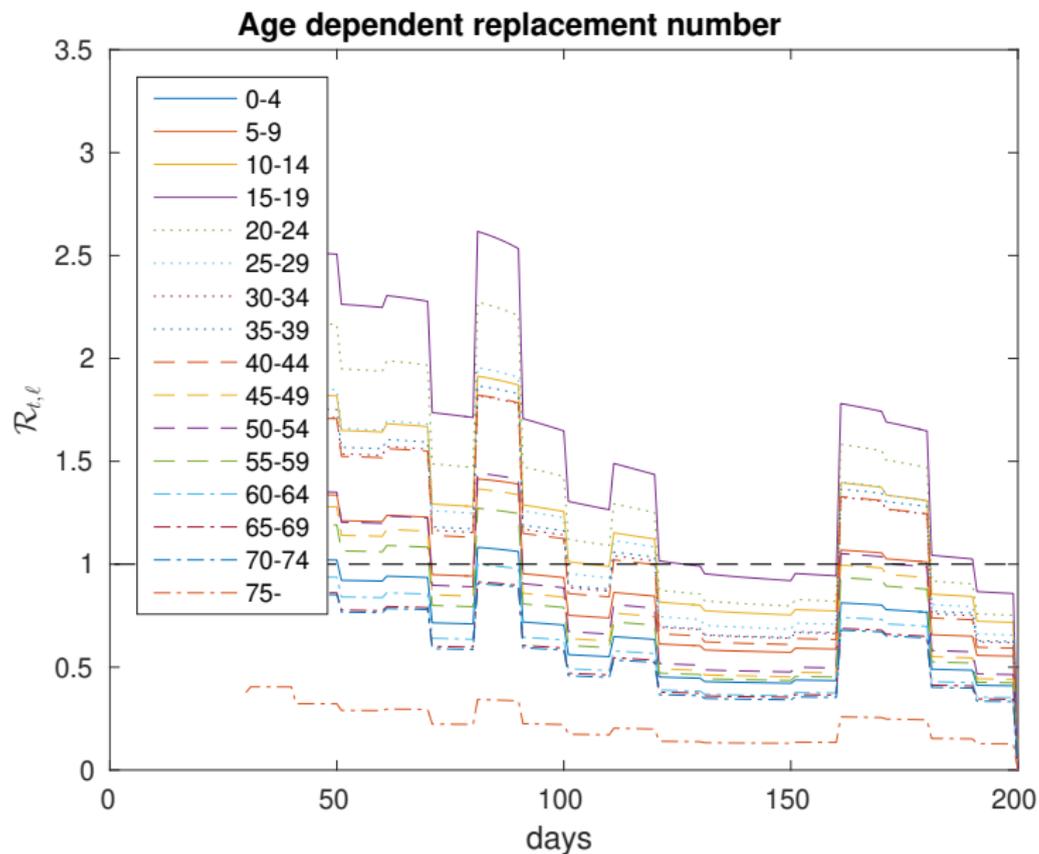
$$\mathbb{R}_{0,\ell} := \frac{1}{\gamma}(\mathbf{P}^T \mathbf{C} \mathbf{D})_{\ell}, \quad \mathbb{R}_{t,\ell} := \frac{1}{\gamma}(\mathbf{S}^T \mathbf{C} \mathbf{D})_{\ell}$$

A ideia permite achar a faixa etária *mais contagiosa*.

No caso do Rio:



No caso do Rio ($\mathbb{R}_{t,l}$):



Algumas especulações

Quem deve ser vacinado?

- ▶ Jovens entre 15-34 anos (~ 1.584 k vacinas)
 - grande redução do contágio
 - baixo risco de morte
 - economicamente ativos
- ▶ Adultos 40-59 (~ 1.636 k vacinas)
 - boa redução do contágio
 - algum risco de morte
 - economicamente ativos
- ▶ Adultos 50- (~ 1.670 k vacinas)
 - baixa redução do contágio
 - alto risco de morte
 - “fora” do mercado de trabalho

Simulação hipotética

Considere:

- ▶ população igual à do Rio
- ▶ interação social ($\beta(t)$) igual à do Rio
- ▶ letalidade constante
- ▶ grupos sendo vacinados nos dias 100, 150 ou 200
- ▶ vacinas 100% eficientes: bloqueiam contágio
- ▶ distribuição 100% eficiente: todos do grupo são vacinados
- ▶ após dia 200: $\beta_w = 0.0064$ ou $\beta_w = 0.0117$

Casos

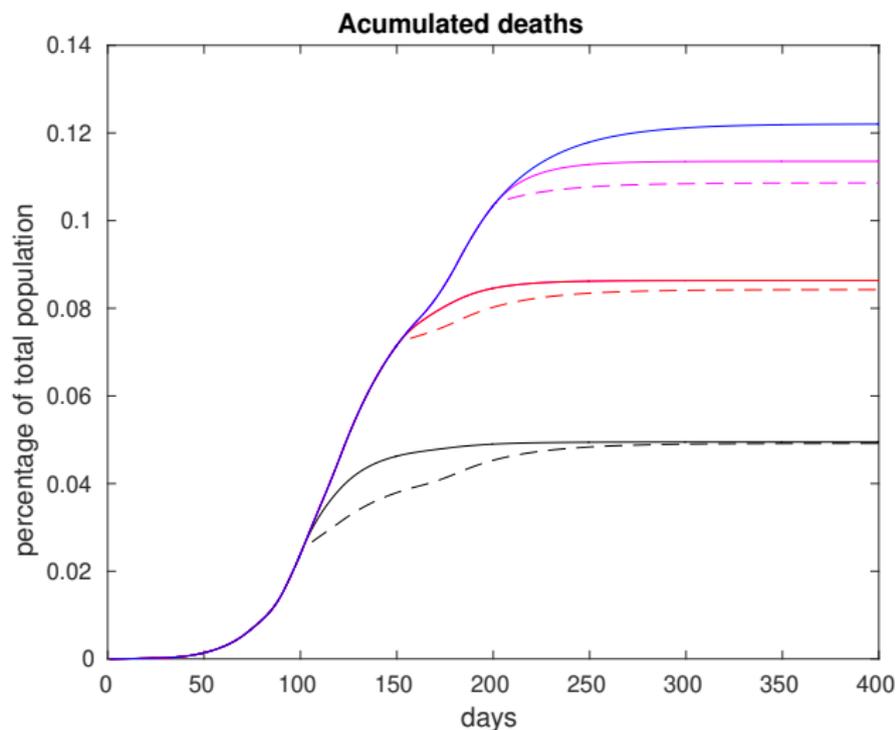


Figure: $\beta_w = 0.0064$. Azul: sem vacinação; linha contínua: faixa 15-34; linha tracejada: acima de 50. Vacinação no dia 100 (preto), 150 (vermelho) ou 200 (magenta). Melhor: vacinar os mais velhos

Casos

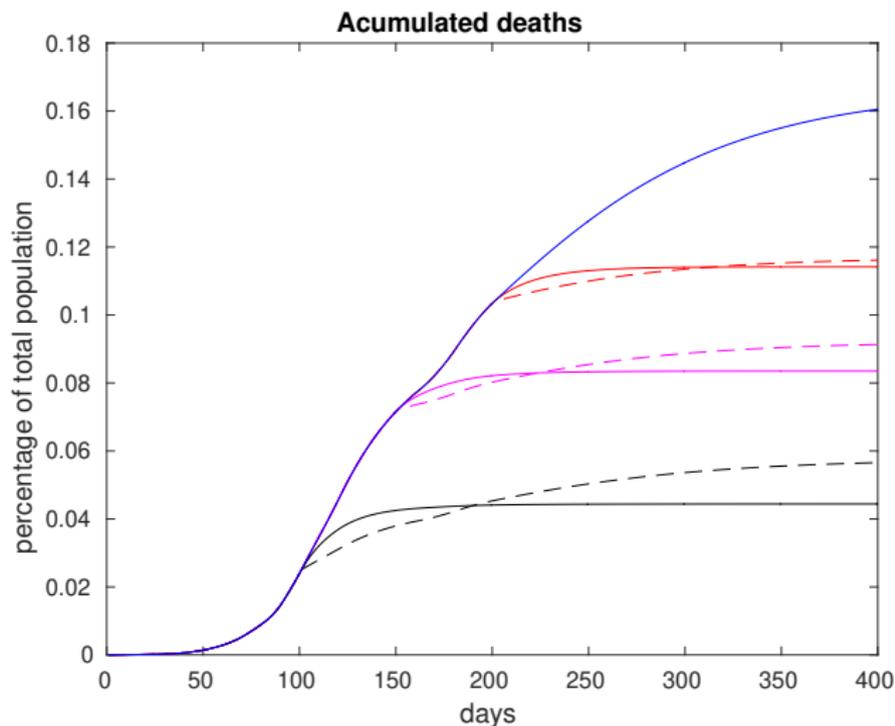


Figure: $\beta_w = 0.0117$. Azul: sem vacinação; linha contínua: faixa 15-34; linha tracejada: acima de 50. Vacinação no dia 100 (preto), 150 (vermelho) ou 200 (magenta). Melhor: vacinar os mais velhos?

Contents

Modelagem SIR para a COVID-19

Objetivos e Ressalvas

Modelagem SIR

Estimando parâmetros

Entendendo o passado

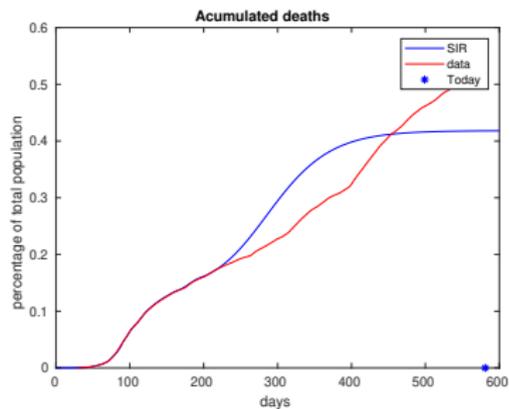
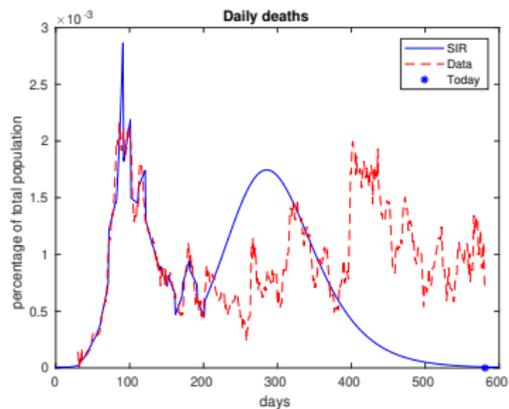
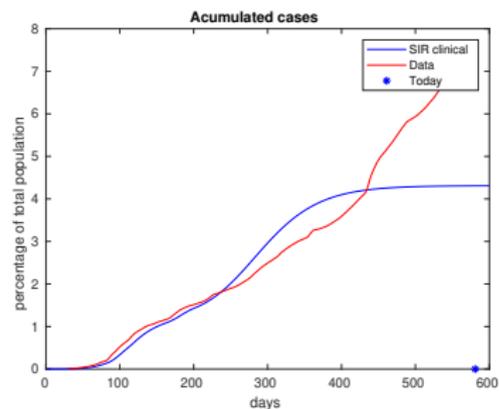
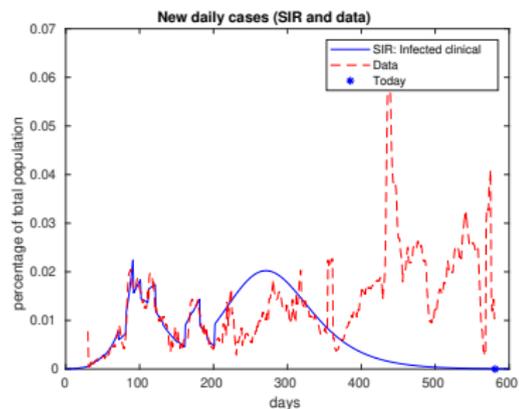
Prevendo o passado

Vacinação?

E agora?

Conclusões

Situação atual



O que está havendo?

A modelagem SIR falha a longo prazo

- ▶ Modelo SIR não incorpora reinfecção
- ▶ A longo prazo o número de imunes fica muito grande
- ▶ Imunidade de rebanho vai sendo atingida

Não é assim que a COVID-19 “funciona”

- ▶ É preciso incorporar reinfecção

O que está havendo?

A modelagem SIR falha a longo prazo

- ▶ Modelo SIR não incorpora reinfecção
- ▶ A longo prazo o número de imunes fica muito grande
- ▶ Imunidade de rebanho vai sendo atingida

Não é assim que a COVID-19 “funciona”

- ▶ É preciso incorporar reinfecção

Modelo SIRI (Perla Rocha - FGV)

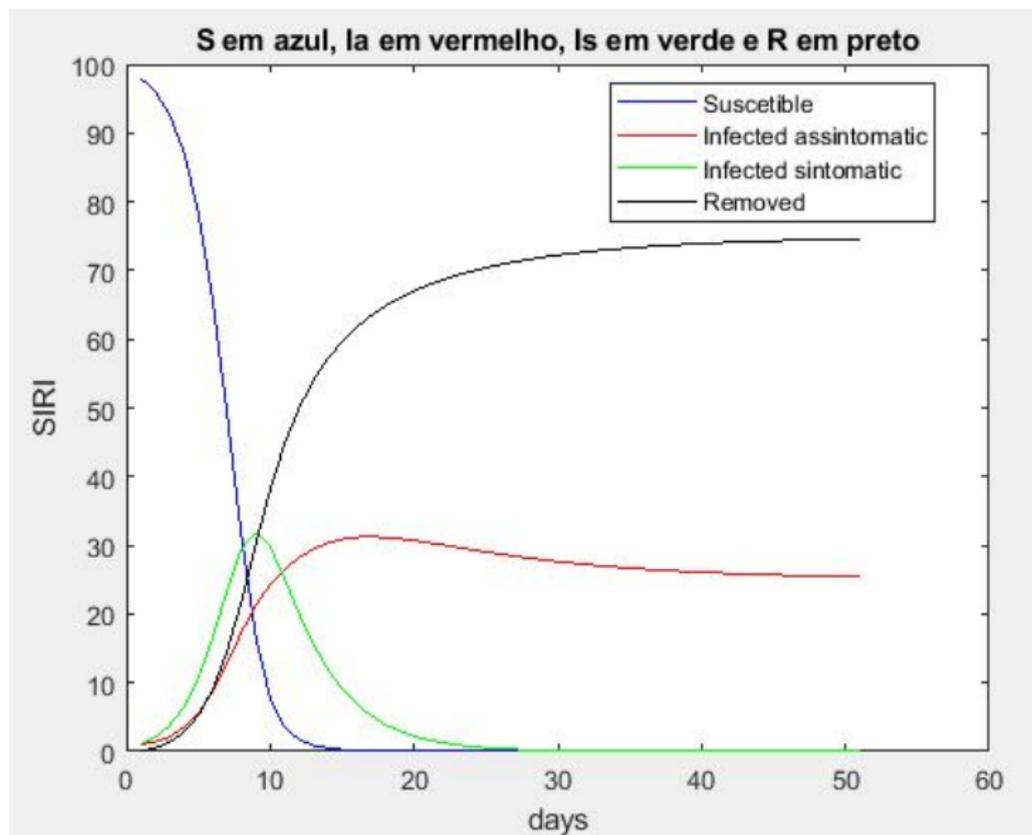
$$\frac{dS}{dt} = -(\alpha + \beta)I(t) \frac{S(t)}{N}$$

$$\frac{dI_a}{dt} = \alpha I(t) \frac{S(t)}{N} - \gamma I_a(t) + \mu I(t) \frac{R(t)}{N}$$

$$\frac{dI_s}{dt} = \beta I(t) \frac{S(t)}{N} - \gamma I_s(t)$$

$$\frac{dR}{dt} = \gamma I(t) - \mu I(t) \frac{R(t)}{N}$$

Modelo SIRI (Perla Rocha - FGV)



Contents

Modelagem SIR para a COVID-19

Objetivos e Ressalvas

Modelagem SIR

Estimando parâmetros

Entendendo o passado

Prevendo o passado

Vacinação?

E agora?

Conclusões

Finalmente

- ▶ Modelos epidemiológicos apontam cenários a serem evitados, capturando aspectos qualitativos
- ▶ Usamos modelo tipo SIR incorporando faixas etárias, diferenciando comportamentos, gravidade da doença
- ▶ O modelo indica melhores/piores cenários. Mas os resultados têm que ser analisados com cautela.
- ▶ Políticas de vacinação podem ser exploradas de forma preliminar. O modelo aponta que vacinar os jovens pode ser melhor que vacinar os mais velhos.
- ▶ O modelo não leva em conta mudanças de comportamentos devido à própria existência da vacina.
- ▶ A política de vacinação foi estática, não levando em conta vacinação ao longo do tempo.
- ▶ Claro que este tipo de modelagem não é conclusivo. Estratégias de vacinação têm que levar em conta aspectos logísticos, éticos, políticos, sociais, etc.

Obrigado!!